



TRIAGEM DE PRIMERS ISSR (INTER SIMPLE SEQUENCE REPEAT) VISANDO ESTUDOS DE DIVERSIDADE GENÉTICA DE COLLETOTRICHUM SP

DANIELA ALMEIDA DE ASSUNÇÃO; IONÁ SANTOS ARAÚJO HOLANDA; DEISY ALEXANDRA ROSERO ALPALA; WILLIANNY KAREM DE SOUSA; MARCIA MICHELLE DE QUEIROZ AMBROSIO

Introdução: Fungos fitopatogênicos do gênero *Colletotrichum* são responsáveis por causar a doença antracnose em diversas culturas de importância agrícola. Estudos de diversidade genética são importantes para o desenvolvimento de estratégias mais eficientes para o manejo de patógenos.

Objetivo: Selecionar marcadores ISSR capazes de detectar polimorfismo para estudos futuros de diversidade genética em isolados de *Colletotrichum* sp. **Materiais e métodos:** Foram utilizados 25 primers ISSR para amplificação de DNA de dois isolados de fungos do gênero *Colletotrichum*. A reação de PCR foi realizada com um volume final de 12 µL, contendo: 10 ng de DNA genômico; 2 mM de dNTP; 5µg de BSA; solução tampão de buffer 1x (50 mM de KCl; 200 mM de Tris-HCl, pH 8,4); 4 µM primers ISSR; 1,5 mM de MgCl₂; 1U de Taq DNA polimerase. As amplificações foram realizadas com desnaturação inicial a 94°C por 5 min, seguida por 35 ciclos de desnaturação a 92°C por 1 min, anelamento a 1 min a 55 e 45°C e extensão de 2 min a 72°C com uma extensão final a 72°C por 7 min. Os produtos obtidos da amplificação foram aplicados em gel de agarose à 2%, corado com brometo de etídeo (10 mg mL⁻¹). Os géis foram submetidos a eletroforese 150V por 90 minutos em tampão TBE 1X e fotografados em fotodocumentador na presença de luz ultravioleta. **Resultados:** Dos 25 primers testados, 23 apresentaram potencial para aplicação na detecção de polimorfismo. **Conclusão:** Os primers ISSR: DiCA3'YG, DiCA5'CR, DiCA5'CY, DiGA3'C, DiGA3'RC, DiGA3'T, DiGA5'CR, TriCAAC3'RC, TriGTG, TriGTG3'YC, TriGTG5'CY, TriTGT3'RC, TriTGT5'CY, TriAAG3'RC, TriATG3'RC, TriACA3'RC, TriAGG3'RC, TriTCA3'RC, TriTCT3'RC, TriTCC3'RC, TriTGA3'RC, TriCAT3'RC, TriCGA3'RC apresentaram bandas polimórficas em estudos de diversidade genética.

Palavras-chave: Fungos, Fitopatógenos, Antracnose, Diagnose, Variabilidade genética.